

Prüfbereich: Veterinärmedizin

Prüfgebiet: Genetik (Molekulare Genetik, Abstammungsgutachten)

Prüfart: Amplifikationsverfahren\*\*

Erstellt am: 19.07.23 12:30

Letzte Aktualisierung am: 19.07.23 12:30

| Analyt (Messgröße)                          | Spezies           | Prüfmateriale (Matrix)  | Prüftechnik  | Anweisung/Version (MET)   | Gerät (Gerätetyp, Gerätename)   | Genehmigt/inkraftgesetzt | Standort                            |
|---|-------------------|---|--|---|---|--------------------------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>Rotfaktor Umfärber | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM9_Genotypisierung<br>(SNP) Rotfaktor<br>Umfärber_V2 | LightCycler,<br>Tischzentrifuge   | 11.03.22                 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>RotfaktorNested    | Bos taurus (ssp.) | Amplifikat aus<br>Rotfaktor-PCR   | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM8_Genotypisierung<br>(SNP)<br>RotfaktorNested_V2    | LightCycler,<br>Tischzentrifuge   | 10.03.22                 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Rotfaktor          | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Restriktionsfragmentl<br>ängen-<br>Polymorphismus<br>(RFLP) nach<br>spezifischer PCR   | MET741_0003_ZMDM<br>OM7_Genotypisierung<br>(SNP) Rotfaktor_V3             | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 07.07.23                 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|   |                                       |  |  |  |  |          |                                     |
|---|---------------------------------------|--|--|--|--|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>CLAD                             | Canis familiaris<br>(Irischer Setter) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma)  | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM6_Genotypisierung<br>(SNP) CLAD_V2                                     | LightCycler,<br>Tischzentrifuge  | 09.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung Polled<br>LightCycler (Holstein)          | Bos taurus (ssp.)                     | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma), Gewebe,<br>EDTA-Blut, Sperma,<br>Haare mit<br>Haarwurzeln,<br>Vollblut,<br>Lebensmittel | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM54_Genotypisierung<br>Polled LightCycler<br>(Holstein)_V1              | LightCycler,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge,<br>Einmalartikel,<br>KingFisher Flex Typ<br>711 | 01.09.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Isolierung genomischer<br>DNA aus Blut, Haaren,<br>Gewebe | alle Spezies                          | Gewebe, EDTA-Blut,<br>Sperma, Haare mit<br>Haarwurzeln,<br>Lebensmittel<br>(Fleisch)   | DNA-Extraktion   | MET741_0003_ZMDM<br>OM53_001_Isolierung<br>genomischer DNA aus<br>Blut, Haaren,<br>Gewebe_V1 | Wasserbad,<br>Tischzentrifuge,<br>Einmalartikel,<br>KingFisher Flex Typ<br>711                 | 21.02.23 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|  |                   |   |   |   |   |          |                                  |
|--|-------------------|---|---|---|---|----------|----------------------------------|
| Genotypisierung (SNP) der Kasein-Varianten beim Rind mit Illumina BeadChip       | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut), gDNA (EDTA-Blut), gDNA (Haare), gDNA (Gewebe), gDNA (Sperma) | SNP Typisierung mit MikroBead Chip Technik - Illumina InfiniumR HD Ultra  | MET741_0003_ZMDM OM52_Genotypisierung (SNP) der Kasein-Varianten beim Rind mit Illumina BeadChip_V2       | DNA-Chip-Scanner, Tischzentrifuge, Illumina iScan                             | 17.03.22 | Burckhardtweg 2, 37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP) Tibiale Hemimelie  | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut), gDNA (EDTA-Blut), gDNA (Haare), gDNA (Gewebe), gDNA (Sperma) | Fluoreszenz-Resonanz-Energie-Transfer-vermittelte Schmelzpunktanalyse (-d(F)/dT) mit Oligonukleotidsonden nach spezifischer PCR | MET741_0003_ZMDM OM51_Genotypisierung (SNP) Tibiale Hemimelie_V2  | LightCycler, Tischzentrifuge  | 17.03.22 | Burckhardtweg 2, 37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP) des Hornstatus bei Rindern mit Illumina BeadChip und ddPCR | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut), gDNA (EDTA-Blut), gDNA (Haare), gDNA (Gewebe), gDNA (Sperma) | SNP Typisierung mit MikroBead Chip Technik - Illumina InfiniumR HD Ultra, ddPCR   | MET741_0003_ZMDM OM50_Genotypisierung (SNP) des Hornstatus bei Rindern mit Illumina BeadChip und ddPCR_V2 | DNA-Chip-Scanner, Tischzentrifuge, Illumina iScan, Droplet Digital PCR System | 17.03.22 | Burckhardtweg 2, 37077 Göttingen |

|   |                                |   |  |   |   |          |                                     |
|---|--------------------------------|---|--|---|---|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>Dilute-Pinscher          | Canis familiaris<br>(Pinscher) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM5_Genotypisierung<br>(SNP) Dilute-<br>Pinscher_V2       | LightCycler,<br>Tischzentrifuge   | 09.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Kappa Variante E         | Bos taurus (ssp.)              | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Restriktionsfragmentl<br>ängen-<br>Polymorphismus<br>(RFLP) nach<br>spezifischer PCR   | MET741_0003_ZMDM<br>OM49_Genotypisierung<br>(SNP) Kappa Variante<br>E_V2      | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 17.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung<br>Mikrosatelliten (Pferd)<br>PM2 | Equus caballus<br>(ssp.)       | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Kapillargelelektropho<br>rese nach<br>spezifischer PCR   | MET741_0003_ZMDM<br>OM48_Genotypisierung<br>Mikrosatelliten (Pferd)<br>PM2_V2 | Kapillarsequencer,<br>Thermocycler,<br>Tischzentrifuge  | 17.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|   |                           |   |  |   |   |          |                                     |
|---|---------------------------|---|--|---|---|----------|-------------------------------------|
| Isolierung genomischer DNA aus Lebensmitteln (Fleisch)  | alle Spezies              | Lebensmittel (Fleisch)  | DNA-Extraktion   | MET741_0003_ZMDM<br>OM47_Isolierung<br>genomischer DNA aus<br>Lebensmitteln<br>(Fleisch)_V2 | Wasserbad,<br>Tischzentrifuge,<br>Glaswaren,<br>Einmalartikel, Waage  | 17.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung Hereditäre Cholesterol Defizienz (CD)   | Bos taurus (ssp.)         | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>EvaGreen<br>Fluorescent DNA<br>Stain nach<br>spezifischer PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM46_Genotypisierung<br>Hereditäre Cholesterol<br>Defizienz (CD)_V2     | LightCycler,<br>Tischzentrifuge   | 17.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP) Epidermolysis bullosa (Charolais) | Bos taurus<br>(Charolais) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fragmentlängen-<br>Polymorphismus<br>(FLP) nach<br>spezifischer PCR  | MET741_0003_ZMDM<br>OM45_Genotypisierung<br>(SNP) Epidermolysis<br>bullosa (Charolais)_V2   | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 17.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|   |                   |   |   |   |  |          |                                     |
|---|-------------------|---|---|---|--|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>Crop Ear                       | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fragmentlängen-<br>Polymorphismus<br>(FLP) nach<br>spezifischer PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM44_Genotypisierung<br>(SNP) Crop Ear_V3                       | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys-<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 10.07.23 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Epidermolysis bullosa<br>(DEB) | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Genotypisierung<br>unter Verwendung<br>von TaqMan Probes            | MET741_0003_ZMDM<br>OM42_Genotypisierung<br>(SNP) Epidermolysis<br>bullosa (DEB)_V2 | LightCycler,<br>Tischzentrifuge  | 17.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Faktor XI Defizienz            | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fragmentlängen-<br>Polymorphismus<br>(FLP) nach<br>spezifischer PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM41_Genotypisierung<br>(SNP) Faktor XI<br>Defizienz_V3         | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys-<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 10.07.23 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|  |                            |   |  |   |  |          |                                     |
|--|----------------------------|---|--|---|--|----------|-------------------------------------|
| Abstammungsklä-<br>rung beim Rind über<br>Genotypisierung mit<br>dem Illumina BeadChip | Bos taurus (ssp.)          | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | SNP Typisierung mit<br>MikroBead Chip<br>Technik - Illumina<br>InfiniumR HD Ultra  | MET741_0003_ZMDM<br>OM40_Abstammungskl-<br>ärung beim Rind über<br>Genotypisierung mit<br>dem Illumina<br>BeadChip_V2 | DNA-Chip-Scanner,<br>Tischzentrifuge,<br>Illumina iScan  | 16.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Dilute-Dobermann  | Canis familiaris<br>(ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM4_Genotypisierung<br>(SNP) Dilute-<br>Dobermann_V2  | LightCycler,<br>Tischzentrifuge  | 09.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Citrullinämie   | Bos taurus (ssp.)          | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Restriktionsfragmentl-<br>ängen-<br>Polymorphismus<br>(RFLP) nach<br>spezifischer PCR  | MET741_0003_ZMDM<br>OM39_Genotypisierung<br>(SNP) Citrullinämie_V3  | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys-<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 10.07.23 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|  |                            |   |  |   |   |          |                                     |
|--|----------------------------|---|--|---|---|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>VRC               | Bos taurus (ssp.)          | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Restriktionsfragmentl<br>ängen-<br>Polymorphismus<br>(RFLP) nach<br>spezifischer PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM38_Genotypisierung<br>(SNP) VRC_V3                  | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 10.07.23 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung<br>Mikrosatelliten (Schaf) | Ovis aries (ssp.)          | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Kapillargelelektropho<br>rese nach<br>spezifischer PCR               | MET741_0003_ZMDM<br>OM37_Genotypisierung<br>Mikrosatelliten<br>(Schaf)_V3 | Kapillarsequencer,<br>Thermocycler,<br>Tischzentrifuge  | 16.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung<br>Mikrosatelliten (Hund)  | Canis familiaris<br>(ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Kapillargelelektropho<br>rese nach<br>spezifischer PCR               | MET741_0003_ZMDM<br>OM36_Genotypisierung<br>Mikrosatelliten<br>(Hund)_V4  | Kapillarsequencer,<br>Thermocycler,<br>Tischzentrifuge  | 16.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|  |                          |   |  |   |   |          |                                     |
|--|--------------------------|---|--|---|---|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung<br>Mikrosatelliten (Pferd) | Equus caballus<br>(ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Kapillargelelektropho<br>rese nach<br>spezifischer PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM35_Genotypisierung<br>Mikrosatelliten<br>(Pferd)_V3 | Kapillarsequencer,<br>Thermocycler,<br>Tischzentrifuge        | 16.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Isolierung genomischer<br>DNA aus Sperma   | alle Spezies             | Sperma  | DNA-Extraktion   | MET741_0003_ZMDM<br>OM34_Isolierung<br>genomischer DNA aus<br>Sperma_V2   | Wasserbad,<br>Tischzentrifuge,<br>Glaswaren,<br>Einmalartikel | 16.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Isolierung genomischer<br>DNA aus Gewebe   | alle Spezies             | Gewebe  | DNA-Extraktion   | MET741_0003_ZMDM<br>OM33_Isolierung<br>genomischer DNA aus<br>Gewebe_V2   | Wasserbad,<br>Tischzentrifuge,<br>Glaswaren,<br>Einmalartikel | 16.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|  |                   |  |   |   |   |          |                                     |
|--|-------------------|--|---|---|---|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung<br>Mikrosatelliten<br>(Schwein)      | Sus scrofa (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma)                                  | Fluoreszenz-<br>Kapillargelelektropho<br>rese nach<br>spezifischer PCR            | MET741_0003_ZMDM<br>OM32_Genotypisierung<br>Mikrosatelliten<br>(Schwein)_V3     | Kapillarsequencer,<br>Thermocycler,<br>Tischzentrifuge  | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Brachypina                  | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma)                                  | Genotypisierung<br>unter Verwendung<br>von TaqMan Probes                          | MET741_0003_ZMDM<br>OM31_Genotypisierung<br>(SNP) Brachypina_V2                 | LightCycler,<br>Tischzentrifuge                         | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Illumina Bovine<br>BeadChip | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma), Amplifikat<br>aus Rotfaktor-PCR | SNP Typisierung mit<br>MikroBead Chip<br>Technik - Illumina<br>InfiniumR HD Ultra | MET741_0003_ZMDM<br>OM30_2_Genotypisierung (SNP) Illumina<br>Bovine BeadChip_V3 | DNA-Chip-Scanner,<br>Tischzentrifuge,<br>Illumina iScan | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|  |  |   |   |   |   |          |                                     |
|--|--|---|---|---|---|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>Illumina BeadChip<br>Bov50K | Bos taurus (ssp.)                      | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | SNP Typisierung mit<br>MikroBead Chip<br>Technik - Illumina<br>InfiniumR HD Ultra   | MET741_0003_ZMDM<br>OM30_1_Genotypisierung (SNP) Illumina<br>BeadChip Bov50K_V2 | DNA-Chip-Scanner,<br>Tischzentrifuge,<br>Illumina iScan | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>NCL                         | Canis familiaris<br>(American Bulldog) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalyse<br>(-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>nach spezifischer<br>PCR, Fluoreszenz-<br>Kapillargelelektrophorese nach | MET741_0003_ZMDM<br>OM3_Genotypisierung (SNP) NCL_V2                            | LightCycler,<br>Tischzentrifuge                         | 09.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Osteogenesis imperfecta     | Canis familiaris<br>(Dachshund)        | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalyse<br>(-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>nach spezifischer<br>PCR   | MET741_0003_ZMDM<br>OM29_Genotypisierung (SNP) Osteogenesis<br>imperfecta_V2    | LightCycler,<br>Tischzentrifuge                         | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|                                      |                                    |   |  |  |                                 |          |                                     |
|--------------------------------------|------------------------------------|---|--|--|---------------------------------|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>Dilute      | Canis familiaris<br>(ssp.)         | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM28_Genotypisierung<br>(SNP) Dilute_V2      | LightCycler,<br>Tischzentrifuge | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Rotfaktor 1 | Bos taurus (ssp.)                  | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM27_Genotypisierung<br>(SNP) Rotfaktor 1_V3 | LightCycler,<br>Tischzentrifuge | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>SCID        | Equus caballus<br>(Vollblutaraber) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM26_Genotypisierung<br>(SNP) SCID_V2        | LightCycler,<br>Tischzentrifuge | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|  |                            |   |  |   |   |          |                                     |
|--|----------------------------|---|--|---|---|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>Dilute all in one | Canis familiaris<br>(ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM25_Genotypisierung<br>(SNP) Dilute all in<br>one_V2 | LightCycler,<br>Tischzentrifuge                 | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>Mulefoot          | Bos taurus (ssp.)          | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM24_Genotypisierung<br>(SNP) Mulefoot_V2             | LightCycler,<br>Tischzentrifuge                 | 14.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Herstellung von<br>Arbeitslösungen         | alle Spezies               | Reagenzien  |  | MET741_0003_ZMDM<br>OM22_Herstellung von<br>Arbeitslösungen_V3            | Glaswaren,<br>Einmalartikel, Waage,<br>pH-Meter | 14.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|  |                   |   |  |  |  |          |                                     |
|--|-------------------|---|--|--|--|----------|-------------------------------------|
| Isolierung genomischer DNA aus Sperma  | alle Spezies      | gDNA (Sperma)   | DNA-Extraktion   | MET741_0003_ZMDM<br>OM21_Isolierung<br>genomischer DNA aus<br>Sperma_V4  | Wasserbad,<br>Tischzentrifuge                          | 11.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung Mikrosatelliten (Rind) | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Kapillargelelektropho<br>rese nach<br>spezifischer PCR   | MET741_0003_ZMDM<br>OM20_Genotypisierung<br>Mikrosatelliten<br>(Rind)_V6 | Kapillarsequencer,<br>Thermocycler,<br>Tischzentrifuge | 15.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP) BLAD             | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM2_Genotypisierung<br>(SNP) BLAD_V2                 | LightCycler,<br>Tischzentrifuge                        | 09.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|   |              |                             |                |   |                               |          |                                     |
|---|--------------|-----------------------------|----------------|---|-------------------------------|----------|-------------------------------------|
| Isolierung genomischer DNA aus Blut (nach Miller)         | alle Spezies | gDNA (EDTA-Blut)            | DNA-Extraktion | MET741_0003_ZMDM<br>OM19_Isolierung<br>genomischer DNA aus<br>Blut (nach Miller)_V2   | Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 11.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Isolierung genomischer DNA aus Blut                       | alle Spezies | gDNA (EDTA-Blut)            | DNA-Extraktion | MET741_0003_ZMDM<br>OM18_Isolierung<br>genomischer DNA aus<br>Blut_V6                 | MagNA Pure LC                 | 11.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Isolierung genomischer DNA aus Haaren und Gewebe (Qiagen) | alle Spezies | gDNA (Haare), gDNA (Gewebe) | DNA-Extraktion | MET741_0003_ZMDM<br>OM17_Isolierung<br>genomischer DNA aus<br>Haaren und<br>Gewebe_V4 | Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 11.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|                                |                   |   |  |  |   |          |                                     |
|--------------------------------|-------------------|---|--|--|---|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>PrP   | Ovis aries (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM16_Genotypisierung<br>(SNP) PrP_V2   | LightCycler,<br>Tischzentrifuge   | 11.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>MHS   | Sus scrofa (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Restriktionsfragmentl<br>ängen-<br>Polymorphismus<br>(RFLP) nach<br>spezifischer PCR   | MET741_0003_ZMDM<br>OM15_Genotypisierung<br>(SNP) MHS_V3   | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 10.07.23 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>DUMPS | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Restriktionsfragmentl<br>ängen-<br>Polymorphismus<br>(RFLP) nach<br>spezifischer PCR   | MET741_0003_ZMDM<br>OM14_Genotypisierung<br>(SNP) DUMPS_V3 | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 10.07.23 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|                                  |                   |   |  |  |  |          |                                     |
|----------------------------------|-------------------|---|--|--|--|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>Zwicken | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fragmentlängen-<br>Polymorphismus<br>(FLP) nach<br>spezifischer PCR  | MET741_0003_ZMDM<br>OM13_Genotypisierung<br>(SNP) Zwicken_V3 | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys-<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 03.07.23 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>DGAT    | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM12_Genotypisierung<br>(SNP) DGAT_V2    | Thermocycler,<br>LightCycler   | 11.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>DTDST   | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Restriktionsfragmentl-<br>ängen-<br>Polymorphismus<br>(RFLP) nach<br>spezifischer PCR  | MET741_0003_ZMDM<br>OM11_Genotypisierung<br>(SNP) DTDST_V2   | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys-<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 11.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |

|                                |                   |   |  |  |   |          |                                     |
|--------------------------------|-------------------|---|--|--|---|----------|-------------------------------------|
| Genotypisierung (SNP)<br>KAPPA | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Restriktionsfragmentl<br>ängen-<br>Polymorphismus<br>(RFLP) nach<br>spezifischer PCR   | MET741_0003_ZMDM<br>OM10_Genotypisierung<br>(SNP) KAPPA_V3 | Thermocycler,<br>Geldokumentationssys<br>tem, Agarose-<br>Gelelektrophorese,<br>Wasserbad,<br>Tischzentrifuge | 10.07.23 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |
| Genotypisierung (SNP)<br>CVM   | Bos taurus (ssp.) | gDNA (Vollblut),<br>gDNA (EDTA-Blut),<br>gDNA (Haare), gDNA<br>(Gewebe), gDNA<br>(Sperma) | Fluoreszenz-<br>Resonanz-Energie-<br>Transfer-vermittelte<br>Schmelzpunktanalys<br>e (-d(F)/dT) mit<br>Oligonukleotidsonde<br>n nach spezifischer<br>PCR | MET741_0003_ZMDM<br>OM1_Genotypisierung<br>(SNP) CVM_V2    | LightCycler,<br>Tischzentrifuge   | 09.03.22 | Burckhardtweg 2,<br>37077 Göttingen |